



**Nom:** Gaylor  
**Date:** 12/07/2025

---

## RAPPORT D'ESTIMATION DE L'ASCENDANCE DU DEUXIÈME PARENT

---

---

## La décomposition ancienne du deuxième parent est :

Population	Pourcentage
Yamnaya_RUS_Samara :	45.00 %
TUR_Barcin_N :	44.24 %
WHG :	10.76 %

### L'interprétation de la deuxième rupture néolithique parentale (par OpenAI) :

Voici comment interpréter votre répartition néolithique :

- **Yamnaya\_RUS\_Samara (45,00 %)** : Cette composante représente l'ascendance issue des populations de la steppe pontique, associée à la culture Yamnaya, qui a migré depuis la région de la Volga et de la steppe russe vers l'Europe durant l'Âge du Bronze. Elle est souvent liée à l'expansion des langues indo-européennes et à une influence génétique importante sur les populations européennes modernes.

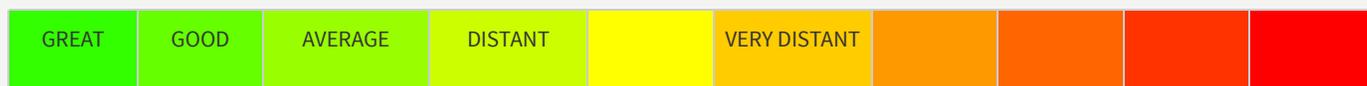
- **TUR\_Barcin\_N (44,24 %)** : Cette composante correspond aux premiers agriculteurs néolithiques d'Anatolie, dans la région de Barcin (Turquie actuelle). Ces populations sont parmi les premières à avoir introduit l'agriculture en Europe, migrant depuis le Proche-Orient vers le continent européen durant le Néolithique.

- **WHG (10,76 %)** : Cette part représente l'ascendance des chasseurs-cueilleurs de l'ouest européen (« Western Hunter-Gatherers »). Ces populations étaient présentes en Europe avant l'arrivée des agriculteurs néolithiques et des pasteurs des steppes.

Votre profil montre donc un mélange génétique typique de nombreux Européens, avec une forte influence des pasteurs des steppes (Yamnaya) et des premiers agriculteurs anatoliens (Barcin), complétée par une contribution plus modérée des chasseurs-cueilleurs européens. Ce mélange reflète les grandes migrations et interactions qui ont façonné la population européenne au Néolithique et à l'Âge du Bronze.



Tous les rapports ci-dessous sont basés sur la distance euclidienne. Veuillez vous référer à la légende ci-dessous pour vous aider à évaluer si votre résultat de distance génétique est une bonne correspondance. Gardez à l'esprit que la plupart des rapports d'ethnicité sont basés sur la **similarité génétique** plutôt que sur la **descendance directe**.



## La répartition moderne du deuxième parent est :

Comment interpréter ? Ce rapport estime l'ascendance en utilisant des populations de référence modernes. Si vous avez une ascendance mixte, vous pouvez voir différents horizons ancestraux reflétés dans les résultats. Si l'ascendance est moins mixte, le rapport peut mettre en évidence des liens génétiques plus anciens ou plus récents.

Population	Pourcentage
Fit :	0.010704925288700255
French_Paris :	44.49 %
Shetlandic :	11.24 %
Polish_Kashubian :	7.24 %
Sorb_Niederlausitz :	7.24 %
Danish :	6.68 %
English_Cornwall :	6.57 %
Greek_Cyclades_Amorgos :	6.35 %
Italian_Friuli_Venezia_Giulia_Sappada :	5.58 %
Polish_Silesian :	2.45 %
Abkhasian_Gudauta :	1.60 %

### L'interprétation moderne de la décomposition du second parent (par OpenAI) :

Voici comment interpréter votre répartition génétique moderne :

- **French\_Paris (44,49 %)** : La majorité de votre héritage génétique est liée à la région parisienne, ce qui indique des ancêtres principalement français, probablement du centre-nord de la France. - **Shetlandic (11,24 %)** : Une part importante de vos origines renvoie aux îles Shetland, au nord de l'Écosse, suggérant une ascendance nordique ou écossaise. - **Polish\_Kashubian (7,24 %)** et **Polish\_Silesian (2,45 %)** : Une partie de vos racines se trouve en Pologne, parmi les groupes ethniques cachoube et silésien, qui possèdent chacun une histoire et une culture distinctes. - **Sorb\_Niederlausitz (7,24 %)** : Ce groupe slave vit principalement en Allemagne de l'Est, dans la région de la Basse-Lusace, ce qui indique des liens avec les minorités slaves d'Europe centrale. - **Danish (6,68 %)** : Une proportion de votre héritage provient du Danemark, ce qui évoque des ancêtres scandinaves. - **English\_Cornwall (6,57 %)** : Cette origine renvoie à la région de Cornouailles, dans le sud-ouest de l'Angleterre, connue pour son histoire celtique. - **Greek\_Cyclades\_Amorgos (6,35 %)** : Une petite fraction de votre génétique est issue des Cyclades, notamment l'île d'Amorgos, dans la mer Égée, traduisant une connexion méditerranéenne. - **Italian\_Friuli\_Venezia\_Giulia\_Sappada (5,58 %)** : Vos ancêtres comptaient aussi des Italiens du nord-est, dans la région alpine du Frioul. - **Abkhasian\_Gudauta (1,60 %)** : Enfin, une trace d'ascendance provient d'Abkhazie, une région du Caucase, ce qui suggère des liens lointains avec cette zone.

Votre profil génétique est donc très diversifié, avec une base principalement française et des influences d'Europe du Nord, de l'Est, du Sud et du Caucase.



## La répartition ancienne du deuxième parent est :

Comment cette répartition doit-elle être interprétée ? Cette analyse vise à retracer votre ascendance en se référant à des populations anciennes.

Population	Distance
Fit :	0.0074674427286254026
Germanic*(AD*100-630) :	27.33 %
Germanic*(AD*700-1000) :	21.91 %
Roman*Pannonia*(AD*130-600) :	8.41 %
Roman*Illyria*(AD*100-600) :	5.40 %
Insular*Celt*(AD*100-1000) :	5.32 %
Roman*Britain*(AD*100-400) :	5.32 %
Baltic*(AD*900-1050) :	4.99 %
European*Jew*(AD*1160-1400) :	4.97 %
Sardinian*(AD*770-1000) :	4.92 %
Sicani*(900-400*BC) :	3.05 %
France*(AD*130-1400) :	2.49 %
Balkans*(AD*500-1000) :	1.91 %
Illyrian*(750-200*BC) :	1.84 %

### Your Ancient Breakdown Interpretation (by OpenAI) :

Voici comment interpréter la répartition ancienne que tu as reçue :

Ta composition génétique montre une forte composante germanique, avec près de la moitié de tes ancêtres anciens provenant des populations germaniques entre le Ier et le Xe siècle (Germanic AD 100-630 : 27,33 % et Germanic AD 700-1000 : 21,91 %). Cela indique une importante ascendance d'Europe du Nord ou Centrale, probablement liée aux grandes migrations germaniques de l'Antiquité tardive et du début du Moyen Âge.



Tu possèdes également une part notable d'ascendance romaine, venant de Pannonie (8,41 %) et d'Illyrie (5,40 %), régions correspondant aujourd'hui à l'Europe centrale et aux Balkans. Cela témoigne d'un mélange avec des populations de l'Empire romain, présentes dans ces régions à l'époque.

L'ascendance celtique insulaire (5,32 %) et romaine de Bretagne (5,32 %) indique des liens avec les îles britanniques, probablement issus des mouvements de populations durant la période romaine et post-romaine.

Des traces baltes (4,99 %), juives européennes médiévales (4,97 %) et sardes (4,92 %) montrent des influences plus variées, issues de migrations ou de brassages de populations dans toute l'Europe.

Une petite part de Sicani (3,05 %) renvoie à une origine ancienne en Sicile, tandis que les segments de France (2,49 %), Balkans (1,91 %) et Illyriens pré-romains (1,84 %) témoignent d'un héritage diversifié, typique de l'Europe méditerranéenne et centrale.

En résumé, ton profil génétique reflète un mélange complexe d'ancêtres issus principalement d'Europe du Nord (germaniques), centrale et méridionale, avec des apports méditerranéens et orientaux, résultat des grands mouvements de population en Europe de l'Antiquité et du Moyen Âge.

## Les 50 populations modernes les plus proches du deuxième parent sont :

Comment interpréter ? Si le résultat de la population la plus proche affiche une faible distance génétique (par exemple, mise en évidence en vert vif), il est très probable que vous apparteniez à cette ethnie ou à un groupe étroitement lié. Si vous n'obtenez pas une bonne distance avec une quelconque population, cela peut indiquer que vous êtes d'ascendance mixte, ou que l'ethnie spécifique n'est pas incluse dans la feuille de référence Davidski.

Population	Distance
Alsatian_Bas-Rhin	0.0158563233182231
Belgian	0.0159461481609343
French_Alsace	0.016258336815308
German_Baden-Wurttemberg_Ellwangen	0.0162862214151679
BelgianB	0.0170151742277298
Bas-Rhin (France)	0.0172987091082687
French_Nord	0.0176909361538614
French_Oil_Hauts-de-France_Nord	0.0182631023352374
Nord (France)	0.0183389128750861
BelgianA	0.0186523705463944
Seine Maritime (France)	0.0187682701635559
German	0.0188195101689709
French_Oil_Hauts-de-France_Pas-de-Calais	0.0192498692949407
French_Oil_Grand_Est_Moselle	0.0192511643357168
French_Oil_Normandy_Seine-Maritime	0.0197003711731563
Bavaria_Middle_Franconia_Erlangen	0.0199483995252571
BelgianC	0.0202298293368975
Flemish_Belgium	0.0206448228437543
Pas-de-Calais (France)	0.0206832034071153
German_Erlangen	0.0211087664016636
Manche (France)	0.0218256221037999
French_Paris	0.0218589018937366
French_Oil_Ile-de-France_Paris	0.0218592689110226
French_Seine-Maritime	0.0222408268731178
Swiss_German	0.0222902206808277
Dutch_Limburg	0.0224847311969701
French_Oil_Normandy_Manche	0.0225885705506125

Austrian	0.0227953181815916
French_Pas-de-Calais	0.022981316607192
Italian_Südtirol	0.0230469418912792
Alsatian_Haut-Rhin	0.0232442153233874
Anglo-American	0.0237083611052664
Doubs (France)	0.0238659980306712
French	0.0240830549698845
Ille-et-Vilaine (France)	0.024834672133934
Maine-et-Loire (France)	0.0248763039511222
Flemish_France_Nord	0.0248788141460342
Eure (France)	0.025186304889761
Somme (France)	0.0252232010260395
Calvados (France)	0.0252373123402632
French_Oil_Pays_de_la_Loire_Maine-et-Loire	0.025378048915352
French_Brittany	0.0253981612720291
French_Canadian	0.0258665893412542
Cajun	0.0261691848315915
Afrikaner	0.0264267089513621
Loire-Atlantique (France)	0.0267519259423504
Dutch	0.0268531936461941
Ardennes (France)	0.0273600327302436
Morbihan (France)	0.0277116107044956
Welsh	0.0279642028135972

#### Populations modernes les plus proches (par OpenAI) :

Pour interpréter tes populations modernes les plus proches, il faut regarder la liste et les valeurs associées, qui sont des distances génétiques (plus la valeur est faible, plus la proximité est grande). Ta liste indique que tes origines génétiques sont principalement situées dans le nord-est de la France (Alsace, Bas-Rhin), la Belgique, le nord de la France (Nord, Pas-de-Calais, Seine-Maritime), ainsi que dans les régions frontalières de l'Allemagne (Bade-Wurtemberg, Erlangen) et de la Suisse (Suisse alémanique).



Les résultats montrent une forte affinité avec les populations alsaciennes et belges, suivies par des populations françaises du nord et de l'est, puis allemandes du sud-ouest, suisses et néerlandaises. Plus loin dans la liste, on trouve aussi des liens avec la Bretagne, les Pays de la Loire, et même quelques traces avec des populations anglo-saxonnes et italiennes du nord (Südtirol).

En résumé, ton profil génétique reflète une origine principalement d'Europe de l'Ouest, centrée sur la région Alsace-Lorraine, la Belgique et le nord de la France, avec quelques influences germaniques, suisses et néerlandaises. Les valeurs relativement basses montrent que tu es très proche de ces populations sur le plan génétique.

## Les 50 enceintes modernes 2 voies les plus proches du Second Parent sont :

### À propos de l'analyse 2Ways

La fonctionnalité 2Ways compare les coordonnées à celles de toutes les populations référencées dans la feuille de données moderne de Davidski. Elle mesure à quel point les pourcentages d'admixture correspondent à chaque population. Veuillez noter que 2Ways ne mesure pas l'ADN partagé entre le kit et les échantillons de référence—il s'agit d'une comparaison statistique basée sur les profils d'admixture.

- Si vous appartenez à une seule ethnie, concentrez-vous sur les populations les plus proches de vous, car ce sont celles qui seront les plus pertinentes.
- Si vous êtes d'ascendance mixte (par exemple, si les parents viennent de milieux ethniques différents), le résultat 2Ways le plus proche reflétera probablement une combinaison proche de « 50 % origine Parent 1 / 50 % origine Parent 2 ».
- Pour les personnes ayant des admixtures récentes complexes ou multiples (comme beaucoup en Amérique latine), l'analyse 2Ways peut ne pas fournir de résultats très précis, car elle est moins efficace pour les personnes ayant un héritage très mélangé.

Population	Distance
53% Danish + 47% Italian_Northeast	0.0118779732549432
62% Dutch + 38% Italian_Northeast	0.0127154490065043
60% Danish + 40% Italian_Veneto	0.0127894673533569
71% German + 29% Italian_Aosta_Valley	0.0130772032213101
66% English_Cornwall + 34% Macedonian	0.0132328788473215
52% Italian_Northeast + 48% Icelandic	0.0132560173597577
65% Danish + 35% Italian_Piedmont	0.0133296383456044
55% German_Hamburg + 45% Italian_Aosta_Valley	0.0133624917794918
71% Danish + 29% Italian_Umbria	0.0134071981437229
69% Danish + 31% Greek_Thessaly	0.013423406394315
74% Danish + 26% Greek_Laconia	0.0134436049465429
68% Danish + 32% Italian_Tuscany	0.0135490696294844
85% German + 15% Italian_Umbria	0.0136239747470009
68% Welsh + 32% Macedonian	0.0136692627143156
60% English_Cornwall + 40% Montenegrin	0.0137534949061421
84% German + 16% Italian_Tuscany	0.0137724325677339
62% English_Cornwall + 38% Romanian	0.0138150552531534
82% German + 18% Italian_Piedmont	0.0138751323392332
63% Danish + 37% Italian_Bergamo	0.013917632869365
78% German + 22% Italian_Veneto	0.0139250547326402
53% Irish + 47% Italian_Northeast	0.0139292104045466
68% Dutch + 32% Italian_Veneto	0.0139356996048771

71% Danish + 29% Italian_Marche	0.0139766832331722
80% Dutch + 20% Greek_Laconia	0.0139781616770966
59% Danish + 41% Italian_Trentino-Alto-Adige	0.0139961552878201
70% German_Erlangen + 30% Italian_Aosta_Valley	0.0140053522621718
74% German + 26% Italian_Northeast	0.0140072957778444
54% Shetlandic + 46% Italian_Northeast	0.0140166604480286
50% Italian_Northeast + 50% Norwegian	0.0140409745730308
61% Welsh + 39% Italian_Northeast	0.0140613881759499
86% German + 14% Italian_Marche	0.0140643978612003
81% German + 19% Italian_Bergamo	0.0140682489171933
76% Dutch + 24% Greek_Central_Macedonia	0.0140735009668739
56% Scottish + 44% Italian_Northeast	0.0141219985717409
66% English + 34% Macedonian	0.0141356346066258
76% Dutch + 24% Greek_Thessaly	0.0141424772540739
64% Welsh + 36% Romanian	0.0141565813860851
78% German + 22% Italian_Trentino-Alto-Adige	0.0142153725363989
75% Welsh + 25% Greek_Central_Macedonia	0.0142954340343576
77% German + 23% Spanish_Mallorca	0.0143554955981977
82% German + 18% Italian_Lombardy	0.0143711679467363
76% Dutch + 24% Rumelia_East	0.0143724819472005
87% German + 13% Italian_Lazio	0.0143737445030876
69% Danish + 31% Greek_Central_Macedonia	0.0143767014191092
74% English_Cornwall + 26% Rumelia_East	0.0143820624929291
88% German + 12% Italian_Abruzzo	0.0144127429530937
88% German + 12% Italian_Apulia	0.0144142490710072
89% German + 11% Italian_Calabria	0.0144189798127366
75% Danish + 25% Italian_Apulia	0.0144216229849109
75% Welsh + 25% Rumelia_East	0.0144343458655762
69% Danish + 31% Albanian	0.0144349365607139

**Le deuxième parent : interprétation des deux voies la plus proche (par OpenAI) :**

Ces résultats semblent provenir d'une analyse génétique, probablement d'un outil de type "2-Way" qui modélise votre héritage comme un mélange de deux populations de référence. Voici comment interpréter vos résultats :

- Chaque ligne indique une combinaison de deux populations (par exemple : 53% Danois + 47% Italien\_Nord-Est) et un score entre parenthèses (par exemple : 0.0118). - Le pourcentage représente la proportion estimée de votre ascendance



provenant de chaque population. - Le chiffre entre parenthèses est une mesure statistique de l'ajustement du modèle ("distance génétique" ou "erreur résiduelle") : plus il est bas, plus la combinaison de populations est proche de votre profil génétique. - Les populations qui apparaissent le plus souvent dans vos meilleures correspondances sont principalement d'Europe du Nord-Ouest (Danois, Allemand, Néerlandais, Anglais, Gallois, Écossais, Irlandais, Norvégien, Islandais, Shetlandic) et d'Europe du Sud (notamment Italie du Nord, Piémont, Vénétie, Toscane, Lombardie, etc., ainsi que des Balkans et de la Grèce). - Cela suggère que votre profil génétique est un mélange significatif entre des populations d'Europe du Nord et d'Europe du Sud, avec une prédominance nord-européenne (souvent autour de 60 à 80%) et une composante sud-européenne notable (20 à 40%), en particulier d'Italie du Nord et régions voisines. - Les faibles valeurs de distance (autour de 0.012 à 0.014) indiquent que ces modèles mixtes décrivent bien votre héritage génétique. - Les variations dans les combinaisons (par exemple, Danois + Italien\_Nord-Est, Allemand + Italien\_Toscane, Gallois + Macédonien) montrent que votre ADN peut être bien modélisé par plusieurs paires différentes, mais toujours avec un schéma nord/sud.

En résumé, vos résultats suggèrent une ascendance principalement d'Europe du Nord (surtout Danois, Allemand, Néerlandais, Britannique) combinée à une part importante d'Europe du Sud, principalement Italie du Nord et régions limitrophes.

## La carte ancienne du deuxième parent :

Comment interpréter ? Cette carte vise à illustrer votre ascendance ancienne en affichant vos similarités génétiques avec des populations historiques à travers différentes régions.



GÉNIAL

BON

MOYENNE

DISTANT

TRÈS ÉLOIGNÉ

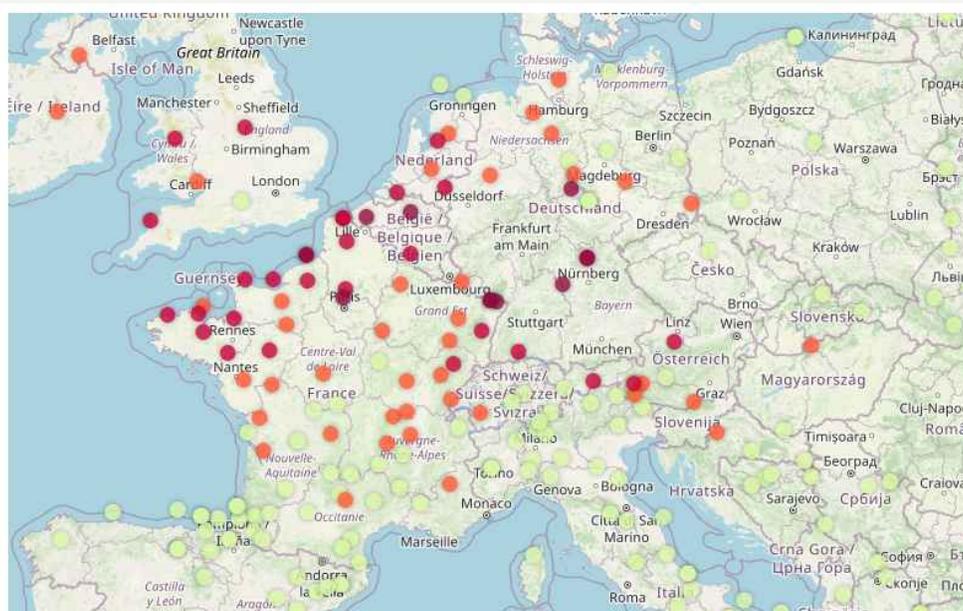
## La carte de similitude moderne du second parent :

### Comment interpréter cette carte ?

Cette carte de similarité est basée sur le jeu de données moderne Davidski G25 et les moyennes françaises du projet Explore Your DNA. La carte est la plus précise pour les individus appartenant à une seule ethnie. Pour les personnes d'ascendance mixte, elle affichera les populations intermédiaires les plus proches de la composition génétique globale.

Gardez à l'esprit que cette carte représente la similarité génétique par rapport aux populations précoloniales. Par exemple, les personnes originaires d'Amérique latine peuvent voir des résultats reflétant une ascendance à la fois en Amérique et en Europe. De même, les Nord-Américains, Australiens et Sud-Africains peuvent obtenir des résultats régionaux mixtes.

Les tribus nomades et les populations diasporiques (comme les Juifs ashkénazes, les Roms, etc.) peuvent ne pas apparaître directement sur la carte. À la place, leurs résultats peuvent indiquer des localisations ancestrales anciennes (par exemple, les Juifs ashkénazes peuvent apparaître à la fois au Levant et en Europe).



## Conclusion (par OpenAI) :

---

D'après l'ensemble des résultats génétiques fournis, ton profil montre une forte composante d'Europe de l'Ouest, en particulier du Nord-Est de la France (Alsace, Nord, Normandie), de la Belgique et du Sud-Ouest de l'Allemagne (Bade-Wurtemberg). Les populations modernes les plus proches sont alsaciennes, belges et allemandes du sud-ouest, mais aussi du nord de la France, ce qui indique une origine majoritairement franco-germanique, typique du couloir rhénan.



Le breakdown néolithique montre un mélange équilibré entre les populations des steppes (Yamnaya), les premiers agriculteurs d'Anatolie (Barcin) et une composante chasseurs-cueilleurs occidentaux (WHG), ce qui est cohérent avec la génétique des populations d'Europe centrale et occidentale.

Au niveau des populations modernes, les affinités principales sont avec les Français (notamment de Paris), les Shetlandais, les Polonais, les Danois et les Anglais, mais aussi quelques apports sud-européens (Grecs, Italiens du Nord). Cela reflète un mélange centre-nord européen, avec une légère ouverture vers le sud-est de l'Europe.

Pour les populations anciennes, il y a une dominante germanique (périodes 100-1000 AD), suivie d'apports romains (Pannonie, Illyrie, Bretagne), celtiques insulaires, baltes et juifs européens médiévaux. On note également une faible mais significative composante méditerranéenne ancienne (Sicani, Sardes).

Les simulations 2Ways indiquent que le meilleur modèle pour ton profil est un mélange entre populations nordiques (Danois, Allemands, Néerlandais, Anglais, Gallois) et populations du nord de l'Italie ou des Balkans, ce qui renforce l'idée d'un ancrage principal en Europe du Nord-Ouest avec une contribution secondaire sud-européenne.

En résumé, ton profil génétique est typique des populations du nord-est de la France, de la Belgique et du sud-ouest de l'Allemagne, avec un héritage germanique et francophone très marqué, enrichi par des apports secondaires d'Europe du Sud (Italie du Nord, Balkans, Grèce) et une structure génétique conforme à l'histoire des migrations européennes depuis le Néolithique jusqu'à l'époque médiévale.